

OY 241 ATGATATTCGTGTGATGGACGACTACTGACAGATTTTGACACAGCCATTGTCAT 300
 DB 244 AATGAAATTCGTGGAGGATACACAGACAGATTTTACACAAATCATATTCAG 303
 OY 301 GAAGACATAAAAATGACAGAGGCTTAATCCAAATGCTATCCGTGAGCATTTGAA 360
 DB 304 GAAGCTTAAAGATTTTACAAAGTGGGCAATCTGTAGCTTAAAGACAGATTGAC 363
 OY 361 AAGACACACACACAGCTTTGAAAGCCTTGAAGCACTGCTCAACCTGTATGCGCAG 420
 DB 364 AAGACAGCAGAGCTGTATAGAGCGCTTCAATGAGATTTCTCAAAAGTTGAAATAG 423
 OY 421 GAAGCTATTCGTGAGTGGCTGACATATCATACAGCTCTGAAAAAGTTGAGACATATC 480
 DB 424 AAGAGATAGCAGATGAGTGGATTTTACAGACAGATTAAGAAATGCGTGGCTCATAT 483
 OY 481 TCAGAGCTATGAGCGGTGGGACAGATGCTGTGATTCATCATGCAAGATTCAGAGT 540
 DB 484 TCTGAAGCAATGATTAAGTAGTAAAGATGCGCTTATCATATTAAGATCAATAGG 543
 OY 541 ATGAAACAGACATTAAGTGTGAAGCATGCAATTTGACCGTGTACTGTCTCA 600
 DB 544 TTTAATACAGATTAAGTAGTTGAAGGATGCAATTTGATGCGGTATCATATCA 603
 OY 601 TACATGCTACAGACATGAAAAATGTTGACAGCTTGAACCCATTATCTAATC 660
 DB 604 TATATGGTAACTGACATGATTAATGATGATGATTAAGACCTCATATATATAGTA 663
 OY 661 ACGGATAAAAAGTGCACCAATCCAAAGCATTTTGGCCACTGACTTGAGGAAGTTTAA 720
 DB 664 ACGATTAAGAAATTTTCACTTCACAGATTTCTTCATATTAAGAAAGTTGGCAG 723
 OY 721 ACCAAGCTGCAATTCATATTTGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 780
 DB 724 GCTAGTGCACCAATTTTAAATGTTGGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 783
 OY 781 GCTTGAACAGATTCGTGACTTTCAATGCTGTCTGTCGTAAGCCGAGATTTGGT 840
 DB 784 GTTTAAACCGATTCGTGAGACATTTACTGCTAGACATTAAGCCCGAGATTTGGT 843
 OY 841 GATGCTGTAAGCTATGCTGTAAGACATGCTATCTTGACAGGCTGATGATGATGATGAT 900
 DB 844 GATGAGCTGTAAGCAATGTTGAAGACCTAGCAATTTAAGTGTGCTCAAGATCATTA 903
 OY 901 GAGATCTAGACATTAATTAAGATGCTAGCATGACAGCCCTGAGAGGCTGTAG 960
 DB 904 GATGATTTAGGTTAGAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 963
 OY 961 ATACAGTGAATAGATAGACAGATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020
 DB 964 GTTGAATGCTTAAGATCATACACAGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1023
 OY 1021 GCTAACGCTATGCTGATTAATGCAATTAAGAAACAACTTCTGACTTGAACGCT 1080
 DB 1024 GATCTGTGTAGTCAATTAAGCAAAATTAAGAAATGATGATGATGATGATGATGAT 1083
 OY 1081 GAAAACTACAGAAAGCTTTGGGAAATTAAGTGTGTGATGATGATGATGATGATGATGAT 1140
 DB 1084 GAAAAATTAACGAAAGTTGGGAAATTAAGTGTGTGATGATGATGATGATGATGATGAT 1143
 OY 1141 GCTTCAACAGACAGCTTTAAAGAAATGAATTCGATGAGGATGATGATGATGATGATGAT 1200
 DB 1144 GGTGGAAGGAAAGCTTAAGAGCTTAATTAAGATTAAGAAAGCTTAATTAAGATTA 1203
 OY 1201 ACAGCTGACAGCTGTAAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1260
 DB 1204 ACAGTGGGCGGTGAAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1263
 OY 1261 ATGAAAGATGACGCTTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1320
 DB 1264 TATCAAAAGATGATTAAGCAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1323

OY 1321 CTTCGCTCTTGAAGAGCCTGTAGCTTAATTCCTTAAATGCTGTGAGT 1443
 DB 1324 TTAAGCATTAAGACACCTGTAGACAAATTTGCAAAATGACAGGATAG 1443
 OY 1381 GTATGATTAAGAGTGAAGAAACGCCCTGACAGACAGATTAATGCTG 1443
 DB 1384 ATATATGTTGAACCTTTAAACATCTGAGCGCGCTGTTCATGACCAACAAAT 1443
 OY 1441 GAGTGGTGAATGATTAAGACAGATCAATGACCCCTGTCGAAGACAGATGATGATGAT 1500
 DB 1444 GAATGGTAAATGATTAAGAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1503
 OY 1501 CTTCAAATGACGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1560
 DB 1504 TTAACATGACAGCAAGTGTAGCTGTATGTTTAACTGAAAGCAAGATGATGATGAT 1563
 OY 1561 AAACCTGAACAG 1573
 DB 1564 ATTCAGAGCCAG 1576

RESULT 3
 US-09-472-971-5
 / Sequence 5: Application US/09472971
 / Patent No. 6197547
 / GENERAL INFORMATION:
 / APPLICANT: SOGO, Kazuo
 / APPLICANT: YANAGI, Hideki
 / APPLICANT: YURA, Takashi
 / TITLE OF INVENTION: TRIGGER FACTOR EXPRESSION PLASMIDS
 / FILE REFERENCE: 1422-409P
 / CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/472,971
 / EARLIER FILING DATE: 1999-12-28
 / EARLIER APPLICATION NUMBER: JP10-372965
 / NUMBER OF SEQ ID NOS: 7
 / SOFTWARE: Patent In Ver. 2.1
 / SEQ ID NO 5
 / LENGTH: 1647
 / TYPE: DNA
 / ORGANISM: Escherichia coli
 US-09-472-971-5

Query Match 36.0%; Score 589.8; DB 4; Length 1647;
 Best Local Similarity 61.3%; Pred. No. 3.3e-164;
 Matches 986; Conservative 0; Mismatches 617; Indels 6; Gaps 2;

OY 4 GCAAAAGAAATCAATTTTCAGACAGATGCGCTGCTGCATAGGTGCGCGAGTTGATATG 63
 DB 7 GCTAAAGCGTAAATTTTCGTAAGCAGCGCTGCTGTGAATAATGCTGCGCGGTAAAGTA 66
 OY 64 TTACGATACCGCTCAAGATGACCTGTGCTTAAGGCGCAATGTTGTTCTTGAATAA 123
 DB 67 CTGCGATGAGTGAAGATTAACCTCGGTCGCAAAAGGCGGTAGATGATGATGAT 126
 OY 124 GCTTTGCTGCTCCCTTAATTAATGACGGGTAACCATGCTTAAGATGATGAT 183
 DB 127 TCTTTCGTCGACGACCATCACCAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 186
 OY 184 GAAGATCAATTTTAAACATGAGAGCAAAATTTGCTGTAAGTGTGCTTCTTAACCAAT 243
 DB 187 GAAGCAATTTTAAATTAATGAGTGTGCGCAGATGTTGAAGAAAGTTCCTCTTAAGCA 246
 OY 244 GATATGCTGCTGATGAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 303
 DB 247 GAGCTGAGGACAGCTGATCACACCTGACACAGCTGATGATGATGATGATGATGATGAT 306
 OY 304 GAGCTAAATATGTCAGACAGTGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 363
 DB 307 GGTCTGAAGCTGTTGCTGCGGAGATGAACCGGATGAGACTGAAGAGTGTATGACAAA 366
 OY 364 GCAACAGCAACAGCTGTTGAAGCCTTGAAGCAATGCTCAACCTGTATGCGCAGAA 423

D	367	GC	GTATACC	CGCTG	CAGTTG	GAAGAA	CTGAAAG	CGCTGT	CCGAT	CCCAT	CTCTG	ATC	CTTAA	42
O	424	GC	ATATG	CTC	AGTGC	GTG	CTG	CACTAT	CA	TC	AGCTC	---	---	7
D	427	GC	ATATG	CTC	AGTGC	TGGT	ATC	AT	CT	CC	CG	TA	CT	486
O	481	TC	GAA	GTAT	GA	GGCTG	TGG	CG	CA	AG	TGT	GT	AT	540
D	487	GC	GAA	GGCAT	GTG	CA	AAAT	CTG	GT	TA	AA	AG	GGT	546
O	541	AT	G	AA	AA	AA	AA	CT	GA	T	GA	AG	CT	600
D	547	CT	C	AG	CA	AG	CA	AG	CT	GT	TA	AG	GT	606
O	601	T	A	C	T	G	C	T	A	C	A	G	A	660
D	607	T	A	C	T	T	A	C	A	CA	AG	CG	GA	666
O	661	AC	G	A	T	A	AA	A	G	T	G	C	A	720
D	667	GC	T	G	C	A	AA	AA	A	T	C	A	AA	726
O	721	AC	C	A	A	CG	T	C	A	T	T	A	C	780
D	727	GC	A	G	C	A	AA	CG	T	C	T	A	C	786
O	781	G	T	C	T	T	A	C	A	A	G	A	T	840
D	787	G	T	T	T	A	C	A	A	T	T	G	A	846
O	841	G	A	T	G	C	T	A	A	A	C	T	A	900
D	847	G	A	T	G	C	T	A	A	A	C	T	A	906
O	901	G	A	G	A	T	C	T	A	G	A	T	T	960
D	907	G	A	G	A	G	A	T	C	G	T	A	G	966
O	961	A	T	T	A	C	A	T	T	A	A	G	A	1020
D	967	G	T	T	G	A	T	C	A	A	A	G	A	1026
O	1021	G	C	T	A	A	C	G	T	A	T	T	A	1080
D	1027	C	A	G	G	C	T	T	G	T	C	A	A	1086
O	1081	G	A	A	A	A	A	A	C	G	T	T	A	1140
D	1087	G	A	A	A	A	A	A	C	G	T	T	A	1146
O	1141	G	C	T	C	A	A	G	A	C	T	T	A	1200
D	1147	G	C	T	C	T	A	A	G	A	C	T	T	1206
O	1201	A	C	A	C	T	G	A	A	G	A	G	A	1260
D	1207	A	C	C	G	T	C	G	T	A	A	G	A	1266
O	1261	A	T	T	A	A	A	A	A	G	A	G	A	1314
D	1267	G	C	G	T	A	A	A	C	T	G	A	A	1320
O	1318	G	T	G	C	T	T	A	A	G	A	G	A	1372
D	1327	G	C	A	T	G	T	G	C	A	T	G	A	1386
O	1378	T	C	C	T	A	T	T	A	T	G	A	A	1432
D	1387	T	C	T	T	T	T	T	G	T	A	A	A	1446
O	1438	G	G	T	A	G	G	G	T	T	A	A	A	1492
D	1447	G	A	G	A	A	T	A	G	C	A	A	A	1506

QY	1498	GCCTTCAAAATGACGCTCTCTGACGACTCTATTTTGGACAACAGACAGTGTGGCT	1557
DB	1507	GCCTGACATACGACGCTTCTGTGGCTGGCATGATGATGATCCACCGAATGACATGGTTACC	1566
QY	1558	AATAAACCTGAAACCAAGCTTACGCCAGCGCCAGCAATGCGACAGGTATGG	1606
DB	1567	GAACCTGGCAAAAACGATGACAGCTGACTTGAAGCCGCTGTGGCGGGTATGG	1615
RESULT 4			
US-09-472-971-7			
Sequence 7, Application US/09472971			
Patent No. 6197547			
GENERAL INFORMATION:			
APPLICANT: SOGO, Kazuyo			
APPLICANT: YANAGI, Hideki			
APPLICANT: YURA, Takashi			
TITLE OF INVENTION: TRIGGER FACTOR EXPRESSION PLASMIDS			
FILE REFERENCE: 1422-409P			
CURRENT FILING DATE: 1998-12-28			
EARLIER FILING DATE: 1998-12-28			
NUMBER OF SEQ ID NOS: 7			
SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1			
SEQ ID NO 7			
LENGTH: 4524			
TYPE: DNA			
ORGANISM: Escherichia coli			
US-09-472-971-7			
Query Match			
Best Local Similarity 61.38; Pred. No. 5,8e-164;			
Matches 966; Conservative 0; Mismatches 617; Indels 6; Gaps			
QY	4	GCAAAAGAAATCAATTTTTCAGCAGATGCGCGTGCCTCAGTCGCGGAGGATTGATG	63
DB	389	GCTAAAGACGTAATAATTCGTAACAGACCTGCTGTGTAATAATCTGGCGGGCTAAACGTA	448
QY	64	TTAGCAGATACCGCTCAAAAGTAACGCTGTGCTAAAGGGCGCAATGTTCTTGTAATA	123
DB	449	CTGCGAGATGACGTAAGATTAACCTCGCTGCAAAAAGCCCTACGTAAGTCTGATGATA	508
QY	124	GCTTTGGTTCCTCCCTTAATTAATATACGCGGGTAAACATGCTTAAGAGATGATTA	183
DB	509	TCTTTTGGTGCACCGACATCACCACCAATATGATGCTTCGCTCTCTGTGAATTCGACG	568
QY	184	GAAGATCTTTTGAANAACATGGAGACCAATGTTGTCTGAAGTGGCTTCTTAACAAT	243
DB	569	GAAAGCAAGTTCCAAATAATGTTGGTGGGAGATGGTAAGAAATGTTCCCTTAAGGAAC	628
QY	244	GATATTCGTGTATGGAGACACTACTCAACAGTTTGAACAGATGATGTCATGAA	303
DB	629	GACGCTGACGCGACGAGTACACACTCAACCGTACGCTGACGCTATCATCATGATA	688
QY	304	GCAGTAAATAATGTGACAGAGTGTCTATTCCAAATTGGTATCCGTGAGAGCATTAACA	363
DB	689	GGTGTGAACACTGTTGTGGCGGACATGAACCCGATGGACGTGAAGCGTGTATGACAAA	748
QY	364	GCAACAGCAGACGTTGTGAAGCGTTGAAGCATTTGCTCAACTGTATCTCGCAAGAA	423
DB	749	GGCGTTTACCCTGTGCAAGTGAAGAACTGAAGACCCGCTGCTGACATGCTGTGATCAA	808
QY	424	GCATTTGTGTAGTGTGCGCGAGATATCAACGTC---TGAAAAGTTGAGAGATATTC	480
DB	809	GGCATTTGCTAGTGTGACCATCTCCGCTTAACCTCGACGAACCGTGAAGTAACCTGTC	868
QY	481	TCAGAACGTTATGAGCGTGTGGGCAACGATGTGTGATTACCATCGAAGATTCGAGGT	540
DB	869	GCTGAAGATGAGTGAACAGTGTGTTAAGAAAGGCTTATACACCTTTGAAGCGGTACCGGT	928
QY	541	ATGGAACGAACTGAAGTGTGTGAAGGATGCAATTTTACCGTGTGATTACCTGTCTGAA	607

```

Db 929 CTGCAGAGCAAGTGAAGTGTGATGATGACCGTGGCTACCTGCTCTCT 988
Oy 601 TACATGTCAGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 660
Db 989 TACTTCTATCAAGACCGGAAATGCGCCAGTACACTGATGATGATGATGATGAT 1048
Oy 661 ACAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 720
Db 1049 GCTGACAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1108
Oy 721 ACAGACCGCTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 780
Db 1109 GACAGCAAGACCGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1168
Oy 781 GCTTACAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 840
Db 1169 GTTGTATACACCTTCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1228
Oy 841 GATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 900
Db 1229 GATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1288
Oy 901 GAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 960
Db 1289 GAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1348
Oy 961 ATTACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020
Db 1349 GTTGTATACACCTTCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1408
Oy 1021 GCTTACAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
Db 1409 CAGGCGCGTGTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1468
Oy 1081 GAAAACTGCAAGACCTTTGGCGAATTTAGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 1140
Db 1469 GAAAACTGCAAGACCTTTGGCGAATTTAGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 1528
Oy 1141 GCTTCAAGACAGACCTTTAAAGATTTAAAGATTTAAAGATTTAAAGATTTAA 1200
Db 1529 GCTGCTACCGAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1588
Oy 1201 ACAGCTGACGCGCTTGAAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1260
Db 1589 ACCGCTGCTGCGGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1648
Oy 1261 ATTGAAAAAGTACAGCTCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1317
Db 1649 GCGTCTAAAGTGTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1708
Oy 1318 GTGCTTGTGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1377
Db 1709 GCACTGCGCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1768
Oy 1378 TCCGTAGTATTGACAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1437
Db 1769 TCTGTGTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1828
Oy 1438 GGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1497
Db 1829 GAGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1888
Oy 1498 GCGCTTCAAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1557
Db 1889 GCTCTGCAAGTGTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1948
Oy 1558 AATAAACTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1606
Db 1949 GACCTGCGCAAAAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1997

```

RESULT 5

```

US-09-221-017B-895/C
Sequence 895, Application US/09221017B
Patent No. 6444/99
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Ross, Bruce C.
TITLE OF INVENTION: P. GINGIVALIS NUCLEOTIDES AND USES THEREOF
NUMBER OF SEQUENCES: 1120
CORRESPONDENCE ADDRESS:
ADDRESSEE: MORRISON & FOERSTER
STREET: 755 PINE MILL ROAD
CITY: Palo Alto
STATE: CA
COUNTRY: USA
ZIP: 94304-1018
COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: Diskette
COMPUTER: IBM Compatible
OPERATING SYSTEM: Windows
SOFTWARE: FASTSEQ for Windows Version 2.0b
CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US/09/221,017B
FILING DATE: 23-DEC-1998
CLASSIFICATION:
PRIORITY APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: P1182
FILING DATE: 31-DEC-1997
PRIORITY APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: P1546
FILING DATE: 30-JAN-1998
PRIORITY APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: P2911
FILING DATE: 09-APR-1998
PRIORITY APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: PCT/US98/01023
FILING DATE: 10-DEC-1998
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: Moroy, Gladys H
REGISTRATION NUMBER: 32,430
REFERENCE/DOCKET NUMBER: 27340-20021.00
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: 650-813-5600
TELEFAX: 650-494-0792
TELEX: 706141
INFORMATION FOR SEQ ID NO: 895:
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 2416 base pairs
TYPE: nucleic acid
STRANDEDNESS: double
TOPOLOGY: circular
MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
HYPOTHETICAL: NO
ANTI-SENSE: UNKNOWN
ORIGINAL SOURCE:
ORGANISM: PORPHYROMONAS GINGIVALIS
FEATURE:
NAME/KEY: misc.feature
LOCATION: 1...2416
US-09-221-017B-895
Query Match 33.28; Score 543.4; DB 4; Length 2416;
Best Local Similarity 59.44; Pred. No. 2,1e-150;
Matches 960; Conservative 0; Mismatches 646; Indels 9; Gaps 2;
Oy 1 ATGCAAGAGATCAATTTTTCAGCAGATGCGGCTGCTGCCATGTCGCGGAGTGTAT 60
Db 1928 ATGCAAGAGATCAATTTTTCAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1869
Oy 61 ATGTTACAGATATACCGTCAAGTAAAGTGTGCTTAAAGGCGCAATGTTGTTGTA 120
Db 1868 GCACTGCAAGTATGCGGTAAAGTATACCTCGGCGCAAGAGTGTATATCTTAC 1809
Oy 121 AAAGCTTTGGTTCCCTTAATTAATGATGACGGGTACATGCTGAAGAGATCA 180

```

Db 1808 AAGAGTACGAGGCTCCGACATTACAGAGAGCGGTGAGCGGTAGCGAAGAGATAGAA 1749
Oy 181 TTAGAGATCATTTTGGAAAATGGAGCAAAAATGGTGTCTGAAGTGGCTTCTAAACC 240
Db 1748 TTGGAGTCCCGCTTCGAGAACATGGGTGCCAGTGTGTAAGAGAGAGCTCCAAAGC 1689
Oy 241 AATGATATTGCTGGTGTGAGGAGGACACTAGTCAAGCTTTGACACAGCAAGCTTGTAT 300
Db 1688 AATGACGATGCCGGGTGACGGTACGCTACGCGCTACGATCTCTGCCAGAGCATTTGCCG 1629
Oy 301 GAAGGACTAAAAATGTGACAGAGAGTGTATTCATTCATTCCTGAGGAGCTTGA 360
Db 1628 GTGGGTCTGAGAAACGTTAGGAGAGAGCCATCCATCGATTTGAAGCGTGTATCGAC 1569
Oy 361 ACAGCAACGAGACAGCTGTGAAGCTTGAAGCCATTCCTCAACCTGTATCTGCAAG 420
Db 1568 AAGCTGTAAAGGCTGTGTGATCATCTTCAGAGTAAGGCTGAGGCGAGCAGC 1509
Oy 421 GAAGCTATTGCTGAGTGGCTGCTCATCATCAGCTC-----TGAAAAGTTGAGAG 474
Db 1508 TTCCAGAGATCCGAGCAGTACGCAAGATCTCTGCCACAGGAGAGCAAAATCCGTAGC 1449
Oy 475 TATATCTCAGAAAGCTTGAAGCGTGTGGGCAACGATGTGTGATTAACATCGAAGATCT 534
Db 1448 CTCATTTGCCGAAGCATGCGCAAGGTGAGAAAGAGGCGTTATACAGGTTAGAAAGAGCC 1389
Oy 535 CGAGGTATGGAACAGAACTGAACTGTGAAGGATGCAATTTGACGCTGTGTTACCTG 594
Db 1388 AAGGAGACCGACACTACGCTAGAAAGTGTGAGATGATGAGTTCGACGCGCTACATC 1329
Oy 595 TCTCATATCATGTGTACAGACAAATGAAAAATGTTGAGAGCTTGAAGACCATTAATC 654
Db 1328 TCTCCCTACTTCTGTAAGCAACAGGATNAGATGAGGTGCAAAATGGAATCTTTTATC 1269
Oy 655 TTAATCAGGATTAATAAGTGTCAAAAGTCAAGACATTTGGCACTTGTAGAGAACTT 714
Db 1268 CTCATCTACGACAAAGAAATATCCGCTCTGAAGAGATGCTCCGATCTCTGACAAACG 1209
Oy 715 CTTAAACCAACCGTCAATTAATCTATTCAGATGATGTGATGTGATGATGATGATGATG 774
Db 1208 GTTCAGAGGAGCAAGCCCTCTCTCATATCTGAGAGACATGACAGGCAACCACTGCC 1149
Oy 775 ACCCTGCTTGAACAAGATGTGTGATCTTCAATGTGTGTCTCAAAAGCCGACAGA 834
Db 1148 ACCCTGCTTGAACAAGATGTGTGATCTTCAATGTGTGTCTCAAAAGCCGACAGA 1089
Oy 835 TTGTGTATGCTGTAAAGCTATCTTGAAGACATTTGATCTTGAAGGTGTACAGT 894
Db 1088 TTGCGCATGCTGCAAGAGCTATCTGAAAGACATTCGATCCGAGAGGCGGAACGGTT 1029
Oy 895 ATTACAGAGATCTAGAGCTTGAATTTAAAGATGTGATGATGACACCCCTTGGACAGCT 954
Db 1028 ATCAGCGAAGAGACCGGTCTGAGCTGAAATATCTAGAGGATGTGTGTGAGACGCT 969
Oy 955 GCTAAGATTACAGTGTATTAAGATAGACAGATATTTGAGAGTTCAGAAAGTGTGA 1014
Db 968 GAGAAAGTAAAGGTGTATTAAGACATACATCTGTTAAAGGAGCCGGAACAAAGAA 909
Oy 1015 GCTATTGCTAACGCTATTGCACTATTAATGCAATTAAGAAACAACTTCTGACTTT 1074
Db 908 GGCATGCTTACAGTATCAGAGATTAAGGCTCAAGATCGAGATCGACAGCGAGCTAC 849
Oy 1075 GACGCTGAAAACCTACAGAAAGCTTTGAGAAATTAAGTGTGATGAGTATCAAA 1134
Db 848 GACGCGGAAAAGCTGCAAAAGCTTTGAGAAAGCTGCGCGGCTGTACCTGTTCTTAC 789
Oy 1135 GTAGAGCTCCACAGACAGCTTTAAAGAAATGAAGTGTGATGAGTATGAGTCTTA 1194
Db 788 GTGGGTCTGCGACGAGATGAAATTAAGAAAGAGATGCGGTAGAAAGATGCGCTTG 729
Oy 1195 AATGCTACAGTCAAGCCGTTGAAGAGTATCTGTTGAGTGTGAGAAAGCAAGCTATT 1254
Db 728 AGTGCAGAGCGTCTCATATCGAAGAGGATGATGACCGGTGCGGTACGCAATCAT 669

Oy 1255 ACGTATTGAAAAGTAGACCTTGTAGAGCTTGAAGGCGATGATGATGAGAGCTAAC 1314
Db 668 CGTGCACTACGCTCTTTGAAAGGTCTCAAGGTGAGAGAGAGCAAGCAACAGATATC 609
Oy 1315 ---ATTGCTCTGCTGCTCTGTAAGAGCTGTAGCTGAATTTGTAATGTGGTAC 1371
Db 608 GAGATCGTGAAGGCGCCATGAGAGCCGCTGTGTGATGATGATGATGATGATGATG 549
Oy 1372 GAAGCTCGCTGATTTATGACAGTTGAAAACAGCCCTGACAGAACAGATTTAATGCT 1431
Db 548 GAGGCTCGCTGTGTGTACAGAGGTGAAAGAGGCAAGAGAGAGACTTGTGATGATG 489
Oy 1432 GCACAGGTGAGTGGTGTATGATTAATAACAGGATGATGAGAGCTGTCAAGTACA 1491
Db 488 CGTACGAGATGTTTGAAGAACCTTACACTACCGGTGTATGAGAGCCGCGCAAGTACA 429
Oy 1492 CGATCAGCGCTTCAAAATGACAGCTTGTAGCTAGTCTTATTTGACAGAGAGT 1551
Db 428 CGTGTACATGGAAGAAATGCGAGCTGTATCGACGATGTGCTGTACTAGAGAGTGT 369
Oy 1552 GTTGTAAATTAACCTGACAGAGTACGCGAGCGAGCAATGCCAGAGGTATG 1606
Db 368 ATCGCTGACAGAAAGAAATATCTCTGCGGACCGGCGCATCCCGAGAGGTATG 314

RESULT 6
US-08-470-260-7
Sequence 7, Application US/08470260
Patent No. 6077706
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Corvax, Antonello
APPLICANT: Bugnoli, Massimo
APPLICANT: Telford, John
APPLICANT: Macchia, Giovanni
APPLICANT: Rappoli, Rino
TITLE OF INVENTION: Helicobacter Pylori Proteins Useful
NUMBER OF SEQUENCES: 7
CORRESPONDENCE ADDRESS:
ADDRESSEE: Chiron Corporation
STREET: 4560 Horton Street
CITY: Emeryville
STATE: California
COUNTRY: USA
ZIP: 94608-2916
COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: floppy disk
COMPUTER: IBM PC compatible
OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
SOFTWARE: Patient's Release #1.0, Version #1.25
CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US/08470,260
FILING DATE:
CLASSIFICATION:
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/256,848
FILING DATE: 21-OCT-1994
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: McClung, Barbara G.
REGISTRATION NUMBER: 33,113
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: (510) 655-3542
TELEFAX: (510) 601-2708
INFORMATION FOR SEQ ID NO: 7:
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 1838 base pairs
TYPE: nucleic acid
STRANDEDNESS: single
TOPOLOGY: linear
MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
US-08-470-260-7

Query Match 32.2%; Score 528.2; DB 3; Length 1838;
 Best Local Similarity 58.9%; Pred. No. 5.4e-146;
 Matches 965; Conservative 0; Mismatches 663; Indels 9; Gaps 3;

```

OY 1 ATGCAAAAGAAATCAAAATTTTCAGACAGATCGCGGTGCTGCCATGGGTGCCGAGCTTAT 60
DB 58 ATGCAAAAGAAATCAAAATTTTCAGATAGTGCAGAAACCTTTATTTGAAGCGCTGAG 117
OY 61 ATGTGACAGATACGCTCAAGTACGCTGTCTCTCAAGAGGCCCATGTTGTTCTGAA 120
DB 118 CAATCCATGACGCGCTCAAGTACGCTGTCTCTCAAGAGGCCCATGTTGTTCTGAA 177
OY 121 AAGCTTTTGTCTCTCAATTAATGAGGGGTACCATTTGCTTAAGATGCA 180
DB 178 AAGAGCTATGCGCTCAAGATCAAGAGCGGTGAGGCTTAAGAGTTGAA 237
OY 181 TTGAAGATCATTTTGAAGATGAGCAAAATTTGCTCTGAATGAGCTTTCAAAAC 240
DB 238 TTGAATTTGCCAGTAGTACATGAGCGCTCACTCACTGTTAAAGATGAGGAGCAAAAC 297
OY 241 AATGATATTTGCTGTGATGGAGACTACTGCAACAGTTTGTACACAGCATTTGTCAT 300
DB 298 GCTGATGCTGCGCGGAGTGGCAGACGACACAGCGCTGATAGCTTATGACATTTTAA 357
OY 301 GAAGGACTAAAAAATGTGACAGAGTGTCTATCAATTCATTCCTGAGGAGCTTGA 360
DB 358 GAAGGTTTGAAGATATCAAGCGCTGAGCTTACCTATTTGAAGAGCAAGGAGCATTTG 417
OY 361 ACAGCAAGCAAGACAGCTGTGAACCTTGAAGCCATTGCTCAACCTGTATGCGCAG 420
DB 418 AAGCGCTGAGAGCATATTAATGAGCTTAAAGAGAGCAAAATGAGCGCTGAA 477
OY 421 GAAGCTATTTGCTAGCTGCTGCTCAATCATCAGCTC---TGAAAAATTTGAGAGTAT 477
DB 478 GAAAGAAATACCCAAAGTGGGAGCAATTTCTGCAAACTCGATCAATATTCGGGAACTC 537
OY 478 ATCTCAAGATATGAGCGCTGGGCAAGATGTGTGATTACCATTCAGAAATCTCGA 537
DB 538 ATGCTGAGGCTATGAGAAAGTGGTAAAGAGCGGTGATCACCGTGAAGAGCTAAG 597
OY 538 GGTATGCAAGAGAACTTGAAGTGTGAAGCATTCATTTGACGCTGTACTCTGTC 597
DB 598 GGCATTGGAAGATGAAATGATGCTGTGAAAGGATGCAATTTGATGAGGCTACTCTGC 657
OY 598 CAATACATGCTCAGACAAATGAAAAATGTTGGAGCACTTGAAGCCATTTACTTA 657
DB 658 CTTATTTTGTACGAAGCGCTGAGAAATGACCGCTCAATTTGATATCTTACATCTT 717
OY 658 ATCAGGATAAAAAGTCAACATCCAGCATTTTGGCAGTACTAGTGAAGATCTT 717
DB 718 TTACGAGTAAAAAATCTCTGACATGAAGATTTCTCCGCTACTAGAAAAAACCATG 777
OY 718 AAAAAACCGCTCATTTACTATTTGAGATGATGTGATGATGATGATGATGATGATG 777
DB 778 AAGAGGCAAAACCGCTTTATATCATGCTGAAGCATTTGAGGCGCACTTTTAAACGCT 837
OY 778 CTTGCTTTGAACAAGATTCGTGTAATTTGATGTTGCTGCAAGCGCGAGATTT 837
DB 838 CTAGTGAGTAAATTAATTAAGAGCGGTGTTAATATTCGAGGGGTAAAGCTCAGGGCTT 897
OY 838 GGTATCTGCTGAAGCTATGCTTGAAGCATTTGATCTGACAGGTTGAGTGAAGAT 897
DB 898 GGGAGACAGAAAGAAATGCTCAAGACATGCTATTTTAAACCGGCGTCAATCATTT 957
OY 898 ACAGAGATCTAGAGCTTGAATTAAGATGCTAATAAGACACCTTGGACAGCTGCT 957
DB 958 ACGGAAATTTGGCTTGAATGAGTGAAGAGCGTGAAGAGTTTATGAGCAAGCTGGA 1017
OY 958 AAGATTACGTTAAGATGACAGATGATTTGTAAGAGTTGTAAGAGATGTAAGAT 1017
DB 1018 AGGATTTGATTGACAAAGACACACGATGCTGATGAGTGCMAAGGCCATGAGCATGAT 1077
  
```

```

OY 1018 ATTGCTAACCGTATGTCAGTATTAATGCAATTTAGAAACCAACATTTGACTTGAAC 1077
DB 1078 GTTAAAGCAAGATCGCGGAGATCAACCAATTTGCAATGACGACAGGATATGAC 1137
OY 1078 CGTGAAGAACTACAGAACGTTTGGCAATTAAGTGTGCTGATCTTATCAAGTA 1137
DB 1138 AAGAAAGAAATTTGCAAGAAAGATTTGCTTAAATCTCTGCGGTGCTGCTGATTAAGTG 1197
OY 1138 GAGCTCCACAGAGACGCTTTAAAGAAATGAACCTTCGATTTGAGATGCTCAAT 1197
DB 1198 GCGCGTGGAGTAAATGGAATGAAGAAAAAGCAAGCGGTGATGAGCGCTTGAAC 1257
OY 1198 GCTACAGCTCAGCGCTTGAAGAGATGCTGTGCTGATGCTGTAAGCAAGCACTATTAG 1257
DB 1258 GCGATTAACCGCGGCTTGAAGAGGATGATGATGCTGCGCGCTGCTATTCGC 1317
OY 1258 GTTATGAAAGATGACAGCTTGTGAGCTTGAAGCGGATGATGCTATGACATTT 1317
DB 1318 GCGGCTCAAAAGT---GCATTTGATTTGACACATGATTAAGAAAGTGTATGAATC 1374
OY 1318 GTGCTGTGCTCTGAGAGAGCTGTGACATTAATTCCTTAAATGCTGAGTGAAGGC 1377
DB 1375 ATCATGCGCGCTTAAAGAGCCCATTAAGCTCAATTCATCAAGCGTGTATGATGAC 1434
OY 1378 TCGGTAGTTATGACAGTGAAGAAACAGCCCTCAGAGAACAGATTAATGCTGACAA 1437
DB 1435 GGTGTGCTGTGAATGAAGTGAAGAAACAGAGGCGATTTGTTTAAACGCTAGCAAT 1494
OY 1438 GGTAGTGGGTGATGATTAAGAAACAGGATCATGACCGCTGCAAGTACATGATCA 1497
DB 1495 GCGAAGATGATGATATGTTAAAGAAAGCATTAATGACCCCTTAAAGTGAAGAGATC 1554
OY 1498 GCGCTCAAAATGACAGCTTGTGATGCTATTTTGAAGCAAGAGCATGTTGCT 1557
DB 1555 GCTCTACAAATGCGGTTTGAAGGCTTCAAGCGCTTGAAGCAAGAGCAGCGT---G 1611
OY 1558 AATAACCTGACACAGCTTACGCGGAGCAATGCGCAGATGCTGAGTATGATCAAGATG 1617
DB 1612 CATGAATTCAGAAAGAAAGAGCACTCGCGAATGCTGATATGAGTGGTGCATGAGCGGT 1671
OY 1618 ATGGCTGAGATGGCGG 1634
DB 1672 ATGGAGGACATGGCGG 1688
  
```

```

RESULT 7
US-08-471-491-7
: Sequence 7, Application US/084714918
: Patent No. 6090611
: GENERAL INFORMATION:
: APPLICANT: Covacci, Antonello
: APPLICANT: Bugnoli, Massimo
: APPLICANT: Telford, John
: APPLICANT: Macchia, Giovanni
: APPLICANT: Rappuoli, Rino
: TITLE OF INVENTION: Helicobacter Pylori Proteins Useful For Vaccines And
: FILE REFERENCE: CHIR0044
: CURRENT APPLICATION NUMBER: US/08/471,491B
: NUMBER OF SEQ ID NOS: 8
: SOFTWARE: Patentin Ver. 2.1
: SEQ ID NO 7
: LENGTH: 1838
: TYPE: DNA
: ORGANISM: Helicobacter pylori
US-08-471-491-7
  
```

Query Match 32.2%; Score 528.2; DB 3; Length 1838;
 Best Local Similarity 58.9%; Pred. No. 5.4e-146;
 Matches 965; Conservative 0; Mismatches 663; Indels 9; Gaps 3;

```

OY 1 ATGCAAAAGAAATCAAAATTTTCAGACAGATCGCGGTGCTGCCATGGGTGCCGAGCTTAT 60
  
```


QY 121 AAAGCTTGTGTTCTCCCTTAATTAATGACGGGGTAACCATGCTTAAGACATCGAA 180
 DB 178 AAAACCTATGCGCCCTCAAGCATCAACCAAGGCGGTGAGCCTGGCTTAAGATTGAA 237
 QY 181 TTAGAAATCATTTTGAACATGGGAGCAAAATGCTGTAGTACGCTTCTAAACC 240
 DB 238 TTAACTTGTCCCATACCTAATACATGGCGCTCAACTCGTTAAAGATGACCAAAACC 297
 QY 241 AATGATATGCTGTGATGGACACTACTGCAACAGTTTGTACACAGCCATTGTTCAAT 300
 DB 298 GCTGATGCTGCGGCGATGAGCAACCAAGCGACCTGCTACTTAAAGCTTAAGCTTTTAA 357
 QY 301 GAAGCACTAAAAATGTGACAGAGCTGTAATCCAAATGCTACCTCGAGCATTTGAA 360
 DB 358 GAAGGTGTGGAGAAATATCAACGGCTGGGCTAACCTTTTAAGTAAACAGCATGAT 417
 QY 361 ACAGCAACACCAACAGCTGTTGAAGCCTTGAAGCCATTGCTCAACCTGTATCGGCAAG 420
 DB 418 AAAGCTCTGAACCATCATTAATGAGCTTAAAAAACGAGCAAAAAGTAAAGCGGTAA 477
 QY 421 GAAGCTATGCTGAGTGGCTGAGTATCATAGGCTC---TGAAAAAGTTGAGAGTAT 477
 DB 478 GAAGAAATACCCCAAGTGGCGACATTCTGCAACCTCGATACAAATATCGGAAACATC 537
 QY 478 ATCTCAACAGCTATGAGCTGTGGGCAACGATGCTGATTAACATCGAAGATTCGA 537
 DB 538 ATCCGTACCGCTATGGAAGAAAGTGGTAAAGACGCTGATCAACGTTGAGAGCTAAG 597
 QY 538 GGTATGGAACAGAACTTGAAGTGTGGAAGCATATTTGACCGTGTACTGCTCT 597
 DB 598 GGCATTTAAGATGAATGTGATGTAGAGGCAATGCAATTTGAATGAGGCTACCTCC 657
 QY 598 CAATACATGCTCACAGACATGAAAAATGTTGCAACCTTGAACCAATTATCTTA 657
 DB 658 CTTATTTTGTAAAGCAACGCTGAGAAAAATGACCCCTCAATTTGATTAATGCTTACATCTT 717
 QY 658 ATCAAGGATAAAAAGTGTCAAACTCCAGACATTTTGCACCTACTGAGAGTCTT 717
 DB 718 TTAAGGATAAAAATATCTCTACATGAAGACATTTCTCCCTCTACAGAAAAACCATG 777
 QY 718 AAAACCAACCGTCACTACTATTAATGAGATGATGATGATGAGAGCACTCCAC 777
 DB 778 AAAAGGGCAAAACCCCTTTAATCATCGCTGACATTTGAGGGGAAAGCTTTAACGACT 837
 QY 778 CTTGCTTGAACAATGATTCGTTACTTCAATGCTGTTGCTGTCGTAAGCCAGAGATT 837
 DB 838 CTAGTGTGATTAATTAAGAGCGCTGTTGAATGTCAGCGGTTAAAGCTCCAGGCTTT 897
 QY 838 GGTGATCGTGAATGATGCTGAACATTTCTATCTTGACAGGTGCTACAGTAT 897
 DB 898 GGGGACGAAGAAAGAAATGCTCAAGACATGCTATTTTAACCGCGGCTCAAGTCAAT 957
 QY 898 ACAGAGATCTAGACTTGAATTAAGATGCTACATGACAGCCCTTGGACAGGCTGCT 957
 DB 958 AGCAAGAAATTTGGCTTGAAGTCTAGAAAAACCTGAAAGTGTGAGGCAAAAGCTGGA 1017
 QY 958 AAGATTACAGTTGATTAAGATGACAGTATTTGAGAGTTCAGGAATTCAGAACT 1017
 DB 1018 AGGATTGTATGACAAAGAACACACGATGCTGATGGAAGGCCATAGCATAT 1077
 QY 1018 ATTGCTAACCGTATTTGACTGATTAATTCGCAATTTGAACCAAACTTCTACTTTCAC 1077
 DB 1078 GTTAAGACAGATGCGCGCATCAAAACCAATTTGCAATGACAGCAAGCATATGAC 1137
 QY 1078 CGTGAAGAACTGAAGAACTTTGGCGCAATTTAGCTGTGTAGTGTATTCAACTA 1137
 DB 1138 AAAGAAATTTTCAGAAATGATGCTCTGAGGCGGTGAGTGTGATTTAAAGTG 1197
 QY 1138 GAGAGCTCAACAGAGACGTTTAAAGAAATGAACCTTCCATTTGAGAGTCTCTAAAT 1197
 DB 1198 GGGCTGTGAGTGAATGAAATGAAAGAAAAAGACCGGTGATGACGCGTTGAGC 1257

QY 1198 GCTACACCTGCACCCGCTGAGAGATATCTGCTGTGTGAGAACAGCACTTATACG 1257
 DB 1258 GCGACATTAAGCGCGGTGTAAGAAAGCAATTTGATGTGCGCTGCGCTCATTCGC 1317
 QY 1258 GTTATTAAGAAAGTACAGCTCTTGAAGCTTGAAGGCGATGATGCTACTGACATTA 1317
 DB 1318 GCGGCTCAAAAAGT---GCATTTGAATTTGCACGATGAGAAAAAGTGGCTATGAATC 1374
 QY 1318 GTGCTGCTGCTAGAGAGCCCTGACATTAATTTGCTTAATGCTGGGAGCAAGG 1377
 DB 1375 ATCATCGCGCCATTAAAGCCCATTAAGCTTAATGCTCAATGCTGATTAATGAGC 1434
 QY 1378 TCCGTGATTTAGCAAGTTGAAAAACGCGCTGCAAGACAGATTTAATCTGCACA 1437
 DB 1435 GGTGTGTGCTGATGATGATTAAGAAACGAAAGCAATTTGTTGTTAACCTTACGAAT 1494
 QY 1438 GGTGAGTGGTGTATGATTAAGACGAATCATTTACCTGTCAAGTAACAGATCA 1497
 DB 1495 GCGAATGATGTGATGATTTAAAGAAAGCATTAATGACCCCTTAAAGTAAAGATC 1554
 QY 1498 GCGCTTCAAAATGACCTTCTGTAGCTAGTCTTATTTGACACAGACAGTGTGCT 1557
 DB 1555 GCTCTACAAATGCGGTTTCGTTCAAGCCTGCTTTAACACAGAACCCCGT---G 1611
 QY 1558 AATAAAGTGAACCACTACGCGCAAGCCAGCAATGCCAGAGGTATGGATCCAGAAATG 1617
 DB 1612 CATGAATAACAAAGAAAGAAAGCACTCCGCAATGCTGATATGAGTGGATGGCGGT 1671
 QY 1618 ATGCGTGGATGGGCGG 1634
 DB 1672 ATGGAGGATGGGCGG 1688
 RESULT 9
 US-08-256-847C-6
 : Sequence 6, Application US/08256847C
 : Patent No. 6403099
 : GENERAL INFORMATION:
 : APPLICANT: Rappuoli, Rino
 : APPLICANT: Costantino, Paolo
 : TITLE OF INVENTION: Conjugates Formed From Heat Shock Proteins And Oligo or Polysa
 : FILE REFERENCE: CHIR-0042
 : CURRENT FILING DATE: 1994-11-01
 : PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP93/00516
 : PRIOR FILING DATE: 1993-03-08
 : PRIOR APPLICATION NUMBER: FI92A000058
 : NUMBER OF SEQ ID NOS: 7
 : SOFTWARE: PatentIn version 3.1
 : SEQ ID NO 6
 : LENGTH: 1838
 : TYPE: DNA
 : ORGANISM: H. pylori
 : FEATURE:
 : NAME/KEY: CDS
 : LOCATION: (58)..(1695)
 : OTHER INFORMATION:
 : US-08-256-847C-6
 Query Match 32.2%; Score 528.2; DB 4; Length 1838;
 Best Local Similarity 58.9%; Pred. No. 5.4e-146;
 Matches 965; Conservative 0; Mismatches 663; Indels 9; Gaps 3;

121 AAAGCTTTGGTTCCCTTAATTAAGTACAGGGGTAACCATGTCTAAAGAGATCGAA 180
178 AAAGCTATGGGCGCCCAAGCAACCAAGAGCGGTAGAGGCTTAAGAGATGAA 237
181 TTGAAAGATCATTTTGAAGACATGGGAGCAAAATTTGGTCTGTAAGTGGCTTAAACC 240
238 TTAAGTTGGCCAGTAGCTAATGAGGCGCTCACTGTTAAAGAGTAGCGCAAAACC 297
241 AATGATATTGGTGTGATGGAGGAGTCTGCAACAGTTTGTACAGCAAGCAATGTGAT 300
298 GCTGATGTCGGCGGATGGAGCAGCACAGCCGAGCGTCTAGCTTATACATTTTAA 357
301 GAAGCACTAAAAATGTGACAGAGTGTCTAATCAATTTGATCGGTGAGGATGAA 360
358 GAAGTTTGAAGATATCACGGTGGGCTAACCCATTGAAGTGAAGAGCATATGAT 417
361 ACAGCAACAGCAAGCTGTGAGGCTTGAAGCCATTGCTCAACCTGATCTGTGCAAG 420
418 AAGCTGTGAGAGCATCATTAATAGCTTAAAGAGCAGCAAAAGTAGCGGTAA 477
421 GAAGCTATTGCTCAGTGTGCTGCAATATCATCAAGCTC---TGAAGAGTTGAGAGTAT 477
478 GAAGAAATCACCCAAAGTAGGAGCACTTTCTGCAAACTCGATCAAAATATCGGAAACTC 537
478 ATCTCAGAACTATGAGCGGTGGGACGATGTGTGATTTACATCGAAGATCTGA 537
538 ATCGTGAGCTATGAGAAAGTGGTAAAGAGCGGTGATCACCGTTGAGGAATCAAG 597
538 GGTATGGAACAGAACTTGAAGTGGTGAAGGCAATTTGACCTGTTACCTGCT 597
598 GGCATTTGAAGATGAAATGATGTCTGTAAGAGCATCAATTTGATAGGCTACTGCTCC 657
598 CAATACATGTGTACAGCAATGAAGAAATGTTGAGCACTGTAAGAAACCATTTACTGA 657
658 CTTATTTTGTAAAGAAAGCTGAGAAATATGACCGCTCAATTTGATGATCTTACTCTT 717
658 ATCAGGGAATAAAAAGTGCACAACTCCAGCAATTTGCCACTACTTGAAGAGTCTT 717
718 TTACGGAATAAAAATCTCTGCAATGAAGATCTCCGCTGATGAAGAAACCATG 777
718 AAACCAACCGTCCATTACTCTTTATTTGCAATGATGTGATGATGATGATGATGAT 777
778 AAAGAGGCAAAAGCGCTTTAATCTGCTGAAGACATTTGAGGCGCAACCTTTAACACT 837
778 CTGTCTTGAACAAGATGTGTGATCTTCAATGTGTGCTGCTCAACAGCGCAGATTT 837
838 CTAGTGTGAATTAATTAAGAGCGGTGTGATATCGCAGCGGTAAAGCTCAGCGCTT 897
838 GGTGATCGTCTAAAGCTATGCTTGAAGACATTTGATGACAGGTGATGATGAT 897
898 GGGGACAGAGAAAGAAATGTCGAAGACATGCTATTTAACCGCGGTGAAGTAT 957
898 ACAGAGATCTAGAGCTTGAATTAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 957
958 ACGGAAGATTTGGGCTTGAAGCTGAGAAAGCGTGAAGAGGATTTTATGCAAAAGCTGA 1017
958 AAGATTACAGTATTAAGATGAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1017
1018 AAGATTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1077
1018 ATTGCTAACCGTATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1077
1078 GTTAAAGCAGAGTGTGCGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1137
1078 CGTGAAGAACTAGAGAGCTTGGCAAAATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1137
1138 AAAGAAATTTGCAAAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1197
1138 GAAGCTCCACAGAGACAGCTTTAAAGAAATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1197
1198 GCGCTGCGAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAG 1257
1198 GCTACAGCTGACCGCTTGAAGAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1257

1258 GCGACTAAACGGCGGTTGAAGAAAGCATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1317
1258 GTTATTTGAAGATGACAGCTCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1317
1318 GCGGCTCAAAAGT---GATTTGAATTTGACAGATGATGATGATGATGATGATGAT 1374
1318 GTGCTGTGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1377
1375 ATCATGCGCGCATTTAAAGCCCATTTAGCTCAAAATCTCTTAACAGCTGTGTGATGAT 1434
1378 TCGGATGATTTGACAGTGAAGAAACAGCCCTCAGAGAAAGATTTAATGCTGCACA 1437
1435 GGTGTGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1494
1438 GGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1497
1495 GGCAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1554
1498 GCGCTCAAAATGACAGCTCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1557
1555 GCTTACAAATGCGGTTGCGGTTTCAAGCCCTGCTTTAAGCAAGAAAGCAGCAGT---G 1611
1558 AATTAACCTGACAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGT 1617
1612 CATGAATCAAAAGAAAGAAAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGT 1671
1618 ATGGGTGGGATGGGCGG 1634
1672 ATGGAGCAGTGGCGG 1688

RESULT 10
US-08-467-822-28
Sequence 28, Application US/08467822
Patent No. 5843460
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Labigne, Agnes
APPLICANT: Sauerbaum, Sebastien
APPLICANT: Ferrero, Richard L.
APPLICANT: Thibierge, Jean-Michel
TITLE OF INVENTION: IMMUNOGENIC COMPOSITIONS AGAINST
TITLE OF INVENTION: HELICOBACTER INFECTION. POLYPEPTIDES FOR USE IN THE
TITLE OF INVENTION: COMPOSITIONS, AND NUCLEIC ACID SEQUENCES ENCODING SAID
NUMBER OF SEQUENCES: 44
CORRESPONDENCE ADDRESS:
ADDRESSEE: Flanagan, Henderson, Farabov, Garrett &
STREET: 1300 I Street, N.W.
CITY: Washington
STATE: D.C.
COUNTRY: USA
ZIP: 20005-3315
COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: Floppy disk
COMPUTER: IBM PC compatible
OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
SOFTWARE: Patentin Release #1.0, Version #1.30
CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US/08/467,822
FILING DATE: 06-JUN-1995
CLASSIFICATION: 435
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/447,177
FILING DATE: 19-MAY-1995
CLASSIFICATION: 435
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/432,697
FILING DATE: 02-MAY-1995
CLASSIFICATION: 435
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: Meyers, Kenneth J.

REGISTRATION NUMBER: 25,146
 REFERENCE/DOCKET NUMBER: 03495, 0137-02000
 TELECOMMUNICATION INFORMATION:
 TELEPHONE: (202) 408-4000
 TELEFAX: (202) 408-4400
 INFORMATION FOR SEQ ID NO: 28:
 SEQUENCE CHARACTERISTICS:
 LENGTH: 2284 base pairs
 TYPE: nucleic acid
 STRANDEDNESS: double
 TOPOLOGY: linear
 MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
 US-08-467-822-78

Query Match 30.3%; Score 496.2; DB 2; Length 2284;
 Best Local Similarity 58.2%; Pred. No. 1,7e-136;
 Matches 952; Conservative 0; Mismatches 673; Indels 12; Gaps 4;

1 ATGGGAAAAAATTTTCAATTTTTCAGCAATGCGCGTCTGCCATGTCGCGGAGTTGAT 60
 Db 506 ATGGGAAAAAATTTTCAATTTTTCAGCAATGCGCGGAGTTGAT 565
 61 ATGTTAGCATATACGCTCAAGTACGCTGCTTAAAGGCGCATGTTGTTCTTGA 120
 Db 566 CAATCTCATACGCTGCTCAAGTACGCTGCTTAAAGGCGCATGTTGATGCA 625
 121 AAGCTTTGCTGCTCTCCCTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 180
 Db 626 AAGCTTTGCTGCTCTCCCTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 685
 181 TTAGAGATCATTTTGAATGAGTGAAGCAATTTGTTGCTGAAGTGGCTTAATACC 240
 Db 686 TTAGAGATCATTTTGAATGAGTGAAGCAATTTGTTGCTGAAGTGGCTTAATACC 745
 241 AATGATATGCTGCTGATGAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGA 300
 Db 746 GCTGATGCTGCTGCTGATGAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGA 805
 301 GAAGGACTTAAATTTGAGCAGAGTGTATGATGATGATGATGATGATGATGATG 360
 Db 806 GAAGGACTTAAATTTGAGCAGAGTGTATGATGATGATGATGATGATGATGATG 865
 361 ACAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGC 420
 Db 866 AAGCGCGCTTAAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGC 925
 421 GAGCTTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 477
 Db 926 GAGCTTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 985
 478 ATCTCAGACCTATGAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAG 537
 Db 986 ATCTCAGACCTATGAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAG 1045
 538 GGTATGCAACAGACCTATGAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAG 597
 Db 1046 GGTATGCAACAGACCTATGAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAG 1105
 598 CAATACATGCTCAGACATGAAAAATGTTGCAACCTTGAACCTTATATCTTA 657
 Db 1108 CATTACTTTGTAACCAACGCTGAGAAAAATGACCCCTAATGATGATGATGATG 1165
 658 ATCCAGATTAACCAACGCTGAGAAAAATGACCCCTAATGATGATGATGATG 717
 Db 1166 TTACGATTAACCAACGCTGAGAAAAATGACCCCTAATGATGATGATGATG 1225
 718 AAACCAACGCTGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 777
 Db 1226 AAACCAACGCTGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1285
 778 CTTGCTTGAACAGATTCGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 837
 Db 1286 CTTGCTTGAACAGATTCGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1345

838 GGTATGCTGTAAGCTATGCTGTAAGCTATGCTGTAAGCTATGCTGTAAGCTATG 897
 Db 1346 GGTATGCTGTAAGCTATGCTGTAAGCTATGCTGTAAGCTATGCTGTAAGCTATG 1405
 898 ACAGAGATCTAGAGCTTGAATTAAGATGCTACATGACAGCCCTGAGAGAGCT 957
 Db 1406 AGGAGATGCTAGAGCTTGAATTAAGATGCTACATGACAGCCCTGAGAGAGCT 1462
 958 AAGATTAAGTGAATGAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGT 1017
 Db 1463 AAGATTAAGTGAATGAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGT 1522
 1018 ATGCTAAGCTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1077
 Db 1523 GTCAGAGAGAGTGGGCAATTAACCAACCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1582
 1078 GGTAAAGATTAAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1137
 Db 1583 AAGAAAGATTAAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1642
 1138 GAGCTCCAG 1197
 Db 1643 GAGCTCCAG 1702
 1198 GCTACAGCTGAGCGCTGTAAGAGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1257
 Db 1703 GCTACAGCTGAGCGCTGTAAGAGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1762
 1258 GTTATGAAAGATGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 1317
 Db 1763 GCTACAGCTGAGCGCTGTAAGAGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1819
 1318 GTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1377
 Db 1820 GTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1879
 1378 TCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1437
 Db 1880 TCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1939
 1438 GGTAGTGGTGTATGATTAAGAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1497
 Db 1940 GGTAGTGGTGTATGATTAAGAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1999
 1498 GCGCTTCAAAATGAGCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1557
 Db 2000 GCGCTTCAAAATGAGCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2056
 1558 AATAAAGCTGAGCAGCTGAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAG 1617
 Db 2057 AATAAAGCTGAGCAGCTGAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAG 2116
 1618 ATGGGTGGAGTGGGCGG 1634
 Db 2117 ATGGGTGGAGTGGGCGG 2133

RESULT 11
 US-08-432-697-28
 Sequence 28, Application US/08432697
 Patent No. 6248330
 GENERAL INFORMATION:
 APPLICANT: Labigne, Agnes
 APPLICANT: Sauerdam, Sebastien
 APPLICANT: Ferrero, Richard L.
 APPLICANT: Thibierge, Jean-Michel
 TITLE OF INVENTION: IMMUNOGENIC COMPOSITIONS AGAINST
 TITLE OF INVENTION: HELICOBACTER INFECTION, POLYPEPTIDES FOR USE IN THE
 TITLE OF INVENTION: COMPOSITIONS, AND NUCLEIC ACID SEQUENCES ENCODING SAID
 NUMBER OF SEQUENCES: 44
 CORRESPONDENCE ADDRESS:

Wed Apr 16 08:05:37 2003

us-09-001-737-7_copy_15_1652.rn1

Page 12

ADDRESSSEE: Finnergen, Henderson, Fairbow, Garrett 6
 ADDRESSSEE: Dunner
 STREET: 1300 I Street, N.W.
 CITY: Washington
 STATE: D C
 COUNTRY: USA
 ZIP: 20005-3315
 COMPUTER READABLE FORM:
 MEDIUM TYPE: Floppy disk
 COMPUTER: IBM PC compatible
 OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
 SOFTWARE: Patentin Release #1.0, Version #1.30
 CURRENT APPLICATION DATA:
 APPLICATION NUMBER: US/08/452,697
 FILING DATE: 07-MAY-1995
 CLASSIFICATION: 424
 ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
 NAME: Meyers, Kenneth J.
 REGISTRATION NUMBER: 25,146
 REFERENCE/DOCKET NUMBER: 03495.0137-00000
 TELECOMMUNICATION INFORMATION:
 TELEPHONE: (202) 408-4000
 TELEFAX: (202) 408-4400
 INFORMATION FOR SEQ ID NO: 28:
 SEQUENCE CHARACTERISTICS:
 LENGTH: 2284 base pairs
 TYPE: nucleic acid
 STRANDEDNESS: double
 TOPOLOGY: linear
 MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
 OS-08-432-697-28

Query Match	30.38;	Score 496.2;	DB 4;	Length 2284;
Best Local Similarity	58.28;	Pred. No. 1.7e-136;		
Matches 952; Conservative	0;	Mismatches 673;	Indels 12;	Gaps 4

Oy	1	ATGGCAAAAGAAATCAAAATTTTCAGCAGATAGCCGGCTGCCAGTGGCCGGAGATGAT	60
Db	506	ATGGCAAAAGAAATCAAAATTTTCAGATAGGCCAGAAACCTTTATTTAGAGCGTTAAGA	565
Oy	61	ATGCTAGAGATACCGCTCAAAAGTAGCCCTGGCTCTAAAGGGCGCAATGTCTCTGAA	120
Db	566	CAATCCATGACCGCTCAAAAGTAGCATGATGGGGCCAGAGCGAGAACTGTTATCCAA	625
Oy	121	AAAGCTTTGGTTCTCCCTTATATCTAAATAGCAGCGGTTAACAATGCTAAAGATCGAA	180
Db	626	AAAGATCTATGGCGCTCAAGCATCACCAAGAGCGCGTAGCCGTGGGTATTAAGATGTGA	665
Oy	181	TTAGAAAGATCAATTTTAAACAAATGGAGCAAAAATTGGTGTCTGAATGGCTCTTAAAC	240
Db	686	TTAAGTTGGCCCGCTGGCTACATGGCGGCTCACTCTGTTAAAGAAAGTCTGAGCAAAAAC	745
Oy	241	AATGATATCTCTGTGTATAGGAGGAGACATCTGCACACATTTTGACACAAAGCATTTGTCAT	300
Db	746	GCTGATCCCGCGCGAGATAGGACACACACAGGACCGAGCGCTGAGCTTATAGCAATTTTAA	805
Oy	301	GAGGACATAAAAAATGTGACAGCAGGTGCTAATCCAAATTTGGTATCTCGTAGGCAATTGAA	360
Db	806	GAGGCTTTAGAGAAATTCACAGCGCTGGGGCTAAACCTATTTGAAGTGAAGACGAGCATGTAT	865
Oy	361	ACAGCAACAGCAACAGCTGTGTGAAGCCTTGAAAGCCATTTGCTACACTTATCTGGCAG	420
Db	866	AAAGGCCCTTAACCGCATCTTAAATGACACTTTAAAAAGCAGCAAAAAAAGCTGGGGGTAA	925
Oy	421	GAGCTATTTGCTCAGGTGCTGCAGTATCATCAGCTC--TGAAAAAGTTGGAGAGTAT	477
Db	926	GAGAGAAATCAACCCAGATAGGACCACTTTCTGCAAACTCCGATACATATTCGGGAACTC	985
Oy	478	ATCTCAGAACCTATGAGACGTTGGGCAACGATGTGTGATTACCATCGAAGATCTCGA	537
Db	986	ATCGTGTACCTTATGGAAAAAGTGGGTAAAGACGGCGTGAATCACCGTTTAAAGAGCTTAA	1044
Oy	538	GGTATGAAACAGACATTGAAGTGGTTGAAGGACATGCAATTTGACCGTGGTACCTCTCT	597

Db	1046	GGCATTTGAAGATGATTAGATGTCTCTGTAAGAGGCGATGCAATTTGATGAGCGCTCTCTCC	11058
Oy	598	CAATACATGGTCCACAGCAATGAAAAATGGTTCGAGACTTGTGAAGAACCATTTATCTTA	657
Db	1106	CCTTACTTGTGTACCAACCGCTGAGAAATATGACCGCTCAATTGGATTAACCTTACATCTT	11658
Oy	658	ATACGGAATAAAAAGTGTCAACATCCAGACATCTTTGGCCACTTGTAGAGAGTTCTT	717
Db	1166	TTAACGAGTAAAAAAATCTCTAGCATGAAAGCATTTCTCCGCTACTGAAAAAACCATG	12258
Oy	718	AAACCAACCGCTCATTTACTCTATTATTTGCAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	777
Db	1226	AAAGAGGCAACCGCTTTTATCTATCTGCTGAAGACATTTAGAGGCGAAGCTTTAAGCAT	12888
Oy	778	CTTGCTTTGAACAAAGATGCGGTGATCTTCTTAATGTGTGCTGTCAAGCGCCAGATTT	837
Db	1286	CTAGGTGTGTAATTAATTTAAGAGCGCTGTGTAATATGCAAGGGGTAAAGCTCCAGGCTT	13488
Oy	838	GGTGATCGTCTTAAGCTATGCTTGAAGACATTTGCTATCTTGAACAGTGTGTACAGTAT	897
Db	1346	GGGGACAGGAAAAAATAATGCTCAAAAGACATCGCTTTTAAACCGGGGTCAAGTCAAT	14098
Oy	898	ACAGAGATCTAGACCTTGAATTTAAAGATGCTACAAATGACACACCCCTTGGACAGGCTGT	957
Db	1406	AGCGAAGATTTGGGCTTGTAGTCTGTGAAGAACGCTGAAGAGAGATTTTAAAGCA---AGCG	14628
Oy	958	AGATTTACAGTTAATTAAGATAGCACAGTAAATGTTGAAGTTGACAGAAATTCAGAACT	10178
Db	1463	AAATTTGATTTGACAAACACACACACGATCTGATGAGCAAAAGGCGATAGCATGAC	15228
Oy	1018	ATTTGACACGTTATTCAGTGTATTAATGCAATTAAGAAACAACAACCTTGACATTTGAC	10778
Db	1523	GTCGAAGACGAGTGGCGGCAATCAAAACCCAAATGCAAGACGACGAAAGCATTAACGAC	15828
Oy	1078	CGTGAAGACGACAAACGTTTGGCAAAATTAAGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	11378
Db	1583	AAAGAAAAATTTGCAAAAGAAATTTGGCCAACTCTGCGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	16428
Oy	1138	GGAGCTCCACAGACAGACCTTTAAAGAAATGAACCTTGCAATTTGAGATGCTCTAAAT	11978
Db	1643	GGCGCTGCAATGATGCAAAATTAAGAAAGAAAAAAGACCGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	17028
Oy	1198	GCTACAGCTGACCGCTTGAAGAAAGTATCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	12578
Db	1703	GGCAATTAAGCGCGGTGTGAAGAAAGGCTTTGTGATTTGGGGCGGTGTGTGTGTGTGTGTGT	17628
Oy	1258	GTTATTTGAAAAATGACAGCTTGTGAGCTTGTGAGGCGCATGATGCTACTGACATTAAT	13178
Db	1763	GGCGCCCAAAAGT---GCATTTGTAATTTACACGATGATTAAGAAAGGTGGGCTGTGAATTC	18198
Oy	1318	GTGCTGCTGCTGTGAAGAGACCTGTGATGCTCAATTTCTTTAAATGCGGGGTGCAAGGC	13778
Db	1820	ATCATGCGCGCCATTTAAAGCCCCATTAGCTCAATAGCTCATCAATGCCGGTATGATGTGC	18798
Oy	1378	TCCGATGTTTATGACAATGTAAGAAAGACCCCTGACGAAACAGATTAATAGCTGCACA	14478
Db	1880	GGTGTGCTGTGAATGAAGTGAAGAAAAACGAAAGGCAATTTGGTTTAAAGCTAGCAAT	19398
Oy	1438	GGTGAAGTGTATATATATATTAATTAACAGGAATCATTAACCTCTGCAAGTACAGATCA	14978
Db	1940	GGCAAGTATGTGACATCTTTTAAAGAGGCATTTATACCCCTTTAAAGTGAAGAAAGATC	19998
Oy	1498	GGCGCTCAAAATGACAGCTTGTAGTACTCTTATTTTGAACAAGAAAGAGTGTGTCT	15578
Db	2000	GCTTTAACAAAATCCGTTTTCGTTTAAACCTGTGCTTTTAAACGACGAAAGCACCGT---G	20568
Oy	1558	AATAAACCTTAACAGCTACCGACGCGCCAGCAATGCCAGACAGATATGATATCCAGAAATG	16178
Db	2057	CATGAAATCAAAAGAAAGAAAGCGCGCCAGCATGCTGTATATGTGTGTCATGTGGCGGA	21168
Oy	1618	ATGTGGGATGGGGG 1634	

Db 2117 ATGGAGCATGGCCG 2133

RESULT 12
US-08-466-248-28
Sequence 28, Application US/08466248
Patent No. 6258359

GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Labigne, Agnes
APPLICANT: Seuerbaum, Sebastian
APPLICANT: Fettero, Richard L.
APPLICANT: Thibierge, Jean-Michel
TITLE OF INVENTION: IMMUNOGENIC COMPOSITIONS AGAINST
TITLE OF INVENTION: HELICOBACTER INFECTION, POLYPEPTIDES FOR USE IN THE
TITLE OF INVENTION: COMPOSITIONS, AND NUCLEIC ACID SEQUENCES ENCODING SAID
NUMBER OF SEQUENCES: 4
CORRESPONDENCE ADDRESSES:
ADDRESSEE: Finnegan, Henderson, Farabow, Garrett &
ADDRESS: Dunner
STREET: 1300 I Street, N.W.
CITY: Washington
STATE: D.C.
COUNTRY: USA
ZIP: 20005-3315

COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: Floppy disk
OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
SOFTWARE: Patent Release #1.0, Version #1.30
CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US/08/466,248
FILING DATE: 06-JUN-1995
CLASSIFICATION: 435
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/447,177
FILING DATE: 19-MAY-1995
CLASSIFICATION: 435
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/432,697
FILING DATE: 02-MAY-1995
CLASSIFICATION: 435
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: Meyers, Kenneth J.
REGISTRATION NUMBER: 25,146
REFERENCE/DOCKET NUMBER: 03495.0137-02000
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: (202) 408-4000
TELEFAX: (202) 408-4000
INFORMATION FOR SEQ ID NO: 28:
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 2284 base pairs
TYPE: nucleic acid
STRANDEDNESS: double
TOPOLOGY: linear
MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
US-08-466-248-28

Query Match 30.3% Score 496.2; DB 4; Length 2284;
Best Local Similarity 58.2% Pred. No. 1.7e-116;
Matches 952; Conservative 0; Mismatches 673; Indels 12; Gaps 4;

Db 1 ATGGCAAGAAATCAATTTACAGACATGCCGCTGCTCCATGTGCGCGAGTTGAT 60
Db 506 ATGGCAAGAAATCAATTTACAGATGCGCAAGAACTTTATTGTAAGCGGTAGA 565
Qy 61 ATGTGCAATACCGTCAAGTAAGCTTGCTTAAGGCGCAATGTTCTTGA 120
Db 566 CAATCTACAGAGGTCTCAAGTAAGTAAGGCGCAAGGCGCAAGAGTGTGATCCA 625
Qy 121 AAGCTTTGTTCTCCCTTAATTAAGTACAGGCGGTACCATGCTTAAGATGCA 180
Db 626 AAGAGTATGGCGCTCCAAAGCATACACAAAGAGCGCGTACGCTGCTTAAGAGATTGA 685

Qy 181 TTGAAGATCAATTTGAAAAATGGAGACAAAATGGTGTCTGAATGCTTTCTAAACC 240
Db 686 TTAAAGTCCCGCGGCTGCTAACATGGCGCTCACCTCTGTTAAAGAAAGTGGAGCAACC 745
Qy 241 AATGATATGCTGGTATGGAGCACTACTGCAACAGTTTGGACACAGCATTTGTCAT 300
Db 746 GCTATGCGCGCGCGCGCATGGCCAGCACAGCCAGCGGTGCTTATGATTTTAA 805
Qy 301 GAGGACTAAATAATGACACAGGTGCTTAATCCAAATTTGATTCGTCAGAGCTGAA 360
Db 806 GAGGCTTGAGGAATATACAGGCTGGGGTTAACCCATTGAAGTGAAGAGAGCGTGTAT 865
Qy 361 ACAGCAAGCAAGCAAGCTTGAAGCCTTGAAGCCATGCTCAACCTATCTGCAAG 420
Db 866 AAGGCGCTGAAGGATCAATTAAGACTTAAAGAGCAACAAAGCGCGGTAA 925
Qy 421 GAAGCTATGCTGCGTCCGCTGCACTATCAACGCTC---TGAAAATGGAGATAT 477
Db 926 GAAGAAATCACCAAGTACAGCAATTTGCAAACTCCGATCAATATGCGGAATC 985
Qy 478 ATTCAGAGCTATGAGCGGTGGCAACGATGTGATTAACATCGAAGATCTGA 537
Db 986 ATGCGAGCTATGAAAAAAGTGGTAAAGAGCGGTATCAACGTTGAAGACTAAG 1045
Qy 538 GTATGAAGACAGACTTGAAGTGTGAAGCATGCAATTTGACCGTGTACTGTCT 597
Db 1046 GCGATTGAAGATGATTAATGATGCTGTAAGAGCATGCAATTTGATAGAGCTACTCTCC 1105
Qy 598 CAATCATGCTACAGACATGAAAAAATGTTGCGAGACTTGAAGAACCATTAATCTTA 657
Db 1106 CCTACTTTGACCAACGCTGAGAAAATGACCGCTCAATTTGATAGCTTACATCTT 1165
Qy 658 ATCAGGATTAATAAGTGTCAAAACATGCAAGCATTTGGCACTATGAGAGTCTT 717
Db 1166 TTAAAGGATTAATAATCTTACGATTAAGAAATCTCCGCTACTGAAATAACATG 1225
Qy 718 AAAACCAACCGCTCATTAATTAATGCAATGATGATGATGATGATGATGATGATG 777
Db 1226 AAGAGGCAACCGCTTTAATGATGCTGAAAGATGAGGCGCAACCTTTAAGCACT 1285
Qy 778 CTTCCTTGAACAAGATTGCTGTAATCTTCAATGCTGCTCAAAAGCCGAGATTT 837
Db 1286 CTAGTGTGAATTAATTAAGAGCGGTGTAATATCGACGGTTAAAGCTTCAGGCTT 1345
Qy 838 GGTATGCTGTAAAGCTATGCTTGAAGACATTTGCTTGAAGAGTGTACAGATTT 897
Db 1346 GGGGACAGAGAAAAAATGCTCAAAAGCATCGCTGTTTAAACGGCGTCAAGTCAAT 1405
Qy 898 ACAGAGATCTAGACTTGAATTAAGATGCTTACATGACAGCCCTGGAGAGGCTGT 957
Db 1406 ACGAAGATTTGGCTGTGATGCTGAAGAACGCTGAAGTGAATTTAGGCA---AGCG 1462
Qy 958 AAGATTACGTTAAGATAGACAGTATTTGTAAGTTTCAAGAGTTTCAAGACT 1017
Db 1463 AAGATTGATTAACAGACACACGATGCTGAAGTGAAGCAAGGCCATAGCCATGAC 1522
Qy 1018 ATTGCTAACCGTATGCACTGATTAATTCGCAATTAAGAACAAACATTTGACTTGA 1077
Db 1523 GTCAAGACAGAGTGTCCCAATTCAAACCAATTTGCAAGCAGCAAGGATTAAGAC 1582
Qy 1078 CCGTAAAGAACTGAGAAAGCTTTGGCAATTAAGTGTGCTGATGCTTAAAGTA 1137
Db 1583 AAGAAATAATGAGAAAGATTTGGCAAACTCTGCGGTGTGCTGATTAAGTG 1642
Qy 1138 GAGGCTCAACAGACAGCTTTTAAAGAAATGAACCTGCAATGAGAGTCTGAAT 1197
Db 1643 GCGGCTGCAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAG 1702
Qy 1198 GCTACAGTGCAGCGTTGAAGAGTATCTGCTGTGTGTGAAGCAAGCACTTATAGC 1257
Db 1703 GCGACTAAAGCGCGTTGAAGAGTATGATGTGAGGCGGTGCGGCTCTATCTGCTC 1762

QY 1358 GTTATTTGAAAAAGTAGCAGCTCTTGAGCTTGAGCGCATGATGCTACTGAGCAATC 1317
DB 1763 GCGGCCCAAAAAAGT---GCATTGAAATTACAGATGATGAAAAAGGGCTATGCAATC 1819
QY 1318 GTGCTTCGTGCTAGAGAGCGCTGATGCAAAATGCTTAAATGGTGGAGCAAGGC 1377
DB 1820 ATCATCGCGCCATTAAAGCCCATTAAGCTTAATGCTTAATCATTCGCTTATATGAGC 1879
QY 1378 TCCGTAGTTATTGACAAAGTTGAAAAAGCGCTGCGAGCAAGCATATTAATCTGCACA 1437
DB 1880 GGTGTGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1939
QY 1438 GGTGTGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1939
DB 1940 GCGAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1999
QY 1498 GCGCTTCAAAATGCAAGCTCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1557
DB 2000 GCTTTCACAAATGCGGTTTCGCTTCAAGCTCTGCTTCAACAGACAGACAGCTG---G 2056
QY 1558 AATAAAGCTGAACAGCTACGCGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGC 1617
DB 2057 CATGAATCAAAAGAAAAAGAAAAAGCGCCAGCAATGCTGATGATGATGATGATGATG 2116
QY 1618 ATGGGTGGATGGGCG 1634
DB 2117 ATGGAGGATGGGCG 2133

RESULT 13
US-08-955-565A-3
Sequence 3. Application US/08955565A
Patent No. 6331388
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Mal'kovsky, Mitroslav
TITLE OF INVENTION: Immune Response Enhancer Therapy
FILE REFERENCE: WAF-02625
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/08/955.565A
CURRENT FILING DATE: 1997-10-17
NUMBER OF SEQ ID NOS: 6
SOFTWARE: PatentIn version 3.0
SEQ ID NO 3
LENGTH: 4380
TYPE: DNA
ORGANISM: Mycobacterium tuberculosis
US-08-955-565A-3

Query Match 28.0%; Score 458.6; DB 4; Length 4380;
Best Local Similarity 55.8%; Pred. No. 3, 1e-125;
Matches 875; Conservative 0; Mismatches 694; Indels 0; Gaps 0;

QY 1 ATGCGAAAAAGAAATCAAAATTTTCAGCAGATGGCGCTGCTCCATGCTGGCGGAGTGTAT 60
DB 252 ATGCGCAAGACATTTCCGTAGCAGAGAAAGGCCCTCGCGCTCGAGGGGGCTGTGAC 311
QY 61 ATGTAGCAGATACGCTCAAGTAAAGCTGTGCTTAAAGGCGCAATGCTTCTTGA 120
DB 312 GCGCTGCGCATGCGGTAAAGGTGATGAGGCGCCCAAGGCGCAAGCTGTCTGGA 371
QY 121 AAGCTTTGCTCTCCCTTAATTAATGAGGGGTAACCATTTGCTTAAAGATGCA 180
DB 372 AAGAGTGGGGTCCGCCAGATCACCAAGATGCTGTCTCATCCCAAGAGATGAG 431
QY 181 TTGAAATGATTTTGAAGATGAGGAGCAAAATTTGCTGTGATGATGCTTCTTAAAGC 240
DB 432 CTGAGAGATCCGTAGCAGAGATGAGGCGCGAGCTGTCAAAAGAGGTAGCCAAAGAGAC 491
QY 241 AATGATATGCTGCTGATGAGAGCAGTACAGCAAGTTTGTGACAAAGCATTTGCTCAT 300
DB 492 GATGACGTGCGCGGTAGCGACACAGAGGCGCACGCTGTGCGCAAGCTTGTGCTCC 551
QY 301 GAAGAGCTAAAAAATGTGACAGAGTGTCTCAATGCTATCGCTGAGGCAATTGAA 360

DB 552 GAGGGCGCTGGCAGACGTGGCGCGCGCCGACACCCGCTGAGCTCAAAAGCGCATGCA 611
QY 361 ACAGCAACAGCAACAGCTGTTGAAGCTTTGAAGCCATTGCTCAACCTGTATCTGCAAG 420
DB 612 AAGGCTGTGAGAGAGTACCGAGACCTGCTCAAGGGGCGCAAGAGGTGCGAGCAAG 671
QY 421 GAACTTTGCTCAGTGGCTGCAATATCAGCTCTGAAAAAGTTGAGAGATATC 480
DB 672 GAGGAGTTGCGCGCCAGCAGAGATTTCCGGGCTGACCACTCATCGGTGATGATGAT 731
QY 481 TCAGAAAGCTATGAGAGCTGTGGGCAACAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 540
DB 732 GCGAGCGCATGAGACAGAGTGGGCAACAGAGGCGCTCATCCGCTGAGAGTCAACAC 791
QY 541 ATGAAACAGAACTTGAAGTGTGTAAGGCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 600
DB 792 TTTGGCTGAGCTGAGCTACCGAGGTATGGGTTGCAAGGGCTCATATCTGCGG 851
QY 601 TACATGCTCAGACATGAAAAATGGTTCAGACCTGTAAGAACCATTTATCTTATC 680
DB 852 TACTTGTGACGAGCCGAGCGGTGAGAGGCGGTCTGAGAGACCTTCACTCTGCTG 911
QY 661 ACGATTAAGATGTGTAACATCCAGACATTTTCCACTTGTGAGAGTCTTAA 720
DB 912 GTCAAGCTCCAGAGGTGCTCAAGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 971
QY 721 ACAGCCGCTTACTATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 780
DB 972 GCGGTGAGCGCTGCTGATCATCCGAGAGACGTGAGAGGCGGCGCTGCTGCTGCTGCTG 1031
QY 791 GTCTTAAGCAAGATTCGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 840
DB 1032 GTCTTAAGCAAGATTCGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1091
QY 841 GATGCTGTAAGCTATGCTTGAAGACATTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 900
DB 1092 GACCGCGCAAGAGATGCTGCGAGATGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1151
QY 901 GAGGATCTGAGCTTGAATTAAGATGCTCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 960
DB 1152 GAAAGGTGCGCTGAGCGTGGAGAGAGCGCGAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1211
QY 961 ATTACGATTAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1020
DB 1212 GTGCTGTACAG 1271
QY 1021 GCTAACGATTAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1080
DB 1272 GCGGAG 1331
QY 1081 GAAAGATCAAG 1140
DB 1332 GAGAGATCAAG 1391
QY 1141 GCTCAACAG 1200
DB 1392 GCGGAG 1451
QY 1201 ACAGGTGAG 1260
DB 1452 GCGAG 1511
QY 1261 ATTGAAG 1320
DB 1512 GCGGAG 1571
QY 1321 CTTCGTGCTGAG 1380
DB 1572 AAGGTGAG 1631
QY 1381 GTAGTTATGCAAGTTGAAAAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 1440

Db 1632 GTGTGCGCCGAGAAAGTCCGACCTGCGGCTGCGCCAGCACTGACAGCTGACACCGGT 1691
OY 1441 GAGTGGGTATATGATTTAAACAGAAATCATATGACCTGTCAAAAGTAACAGATGAGG 1500
Db 1692 GTCTACGAGATCTGTCTGCTGCGGCGGTGCTGCTGACCCGGTCAAGGTGACCCGTTGCGG 1751
OY 1501 GTTCAAAATGCACTTCTGTAGTACTTATTTTGAACAAGAGAGAGTGTGCTAT 1560
Db 1752 GTGCGAATGCGCGCTGATCGCGGGGCTGTTCTTGACACGAGCGGCTGTTGCGGAC 1811
OY 1561 AAGCGTAA 1569
Db 1812 AAGCGGAA 1820

RESULT 14
US-09-103-840A-2
: Sequence 2. Application US/09103840A
: Patent No. 6294328
: GENERAL INFORMATION:
: APPLICANT: FLEISCHMAN, Robert D.
: APPLICANT: WHITE, Owen R.
: APPLICANT: FRASER, Claire M.
: APPLICANT: VENER, John C.
: TITLE OF INVENTION: DNA SEQUENCES FOR STRAIN ANALYSIS IN MYCOBACTERIUM
: FILE REFERENCE: 24366-20007.00
: CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/103.840A
: NUMBER OF SEQ ID NOS: 2
: SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
: SEQ ID NO. 2
: LENGTH: 4403765
: TYPE: DNA
: ORGANISM: Mycobacterium tuberculosis
: FEATURES:
: OTHER INFORMATION: CDC 1551
: OTHER INFORMATION: "n" bases at various positions throughout the sequence
: OTHER INFORMATION: represent a, t, c or g
US-09-103-840A-2

Query Match 28.0%; Score 458.6; DB 4; Length 4403765;
Best Local Similarity 55.8%; Pred. No. 1,4e-123;
Matches 875; Conservative 0; Mismatches 694; Indels 0; Gaps 0;

OY 1 ATGGCAAAAGAAATCAATTTTCACGATGCGCGTGTGCGCATGTCGCGCGGAGTGTAT 60
Db 530048 ATGGCCAAAGCAATTTGCGTACGAGCAAGAGGCCGTCGCGGCTCGAGCGGGCTTGAC 530107
OY 61 ATGTAGCAATACGTCACAAATGACGCTGTGCTTAAAGGCCCAATGTTTCTTGAA 120
Db 530108 GCCCTGCGCATGCGGTAAGGTGACATGAGGCCCAAGGCGCAACGTCGTCGTGAA 530167
OY 121 AAGCTTTTGTCTCTTAAATTAATGACGCGGTAACCATGCTTAAAGATGAA 180
Db 530168 AAGAGTGGGTGCGCCACGATCACACGATGAGTGTGTCTCATCCCAAGAGATGAG 530227
OY 181 TTAGAAATCATTTTGAACATGAGCAAAATTTGCTGTCTGAAGTGGCTTCTTAAAC 240
Db 530228 CTGAGAGATCGTACGAGAAAGATCGCGCGAGCTGCAAGAGGTACCAAGAGAC 530287
OY 241 AATGATATTCGTGATGAGCACTACTGCAACAGTTTGAACAAACCATGTTTCA 300
Db 530288 GATGACGTCGCGGTGACGACACGACGACGCGACGTCGTGGCCAGGCGGTGTTGCG 530347
OY 301 GAAGCACTAAAAATGTGACAGCAAGTGTATTCATTAATGCTGTGAGAGATGAA 360
Db 530348 GAGGCGCTGCGCAAGCTGCGCGCGGCGCAACCCGCTGCTCAAAAGCGGAGTGA 530407
OY 361 ACAGCAACAGACAGCTGTGAAGCTTGAAGCAATGCTCAACCTGTATCTGGCAG 420
Db 530408 AAGCGCTGAGAGAGTCAACGAGACCTGTCTCAANGGCGCAAGAGGTGAGACCAAG 530467

OY 421 GAAGCTATTGCTGAGTGTGCTGACATATCACGCTTGAAAAAGTTGAGATATTC 480
Db 530468 GAGCAATATGGCGCCACCGACGATTTGCGGCGGTGACACGTCATCGTATACCTGATC 530527
OY 481 TCAGAGCTATGAGCGCTGTGGCAACGATGTGTGATTACCATGAAAGATCTGAGGT 540
Db 530528 GCGGAGCGATGACAAAGGTGGCAACGAGGCGTATCACCGCTGAGGAGCTCAACAC 530587
OY 541 ATGAAACAGAACTTGAAGTGTGAAGGATGCAATTTGACCGTGTACTGTCTCA 600
Db 530588 TTTGGGCTGCGACGCTGAGCTCACCGAGGATATCGGTTGCAAGGGCTCATATCTCGGG 530647
OY 601 TACATGTGTCAGACATGAAAAATGTTGACAGCTTGAAGAACCATTTATCTATAC 660
Db 530648 TACTGTGACCGACCGCGAGCGTCAAGAGCGGCTGTGAGACCCCTATCATCTGCTG 530707
OY 661 ACGATAAAAAAGTGTCAAAACATCCAGACATTTGCCACACTTGAAGATCTTAA 720
Db 530708 GTGAGTCCAAAGTGTCTCATCTGCAAGATCTCTGCTGCTGCAAGGATCTGCGA 530767
OY 721 ACCAAGCTCATTAATCTTTATGACAGATGTGTGATGTGAGACACTTCAACCTT 780
Db 530768 GCCGTAAGCGCTGCTGATCTGCGCGAGAGGATGCGAGGCGCGTGTCCACCTG 530827
OY 781 GTCTGAACAAGATTCGTGTACTTCAATGTGTGCTGTCAACCGCAGAGATTGTT 840
Db 530828 GTGTCAACAAGATTCGCGCGACCTTCAAGTGTGTGCGGTCAAGGCTCCGCGCTGCG 530887
OY 841 GATGCTGCTAAGCTATGCTTGAAGACATGCTTATGACAGGTGTACAGTATAC 900
Db 530888 GACCGCCCAAGCGATGCTGAGATATGCGCATTCACCGGTGTGTAGTATACG 530947
OY 901 GAGATCTAGACTTGAATTAAGATGCTACATGACAGCCCTTGAGAGCTGTCTAG 960
Db 530948 GAAGAGTGTGCGCTGACGCTGAGAGACCGGACCTGTGCTAGGACGAGCCGCAAG 531007
OY 961 ATTAAGTGTATTAAGATACACAGTATTTGTAAGGTGTCAAGATTCAGAACTATT 1020
Db 531008 GTGTGTGTACCAAGAGAGAACCAATCTGTGAGGCGCGGTGACACGAGCGCATC 531067
OY 1021 GCTAACGCTATTCACACTATTAATGCAATTGAAACAAACCTTGTGACTTGAACCT 1080
Db 531068 GCCGAGCGATGTGCCCAATCCGCAAGAGATCGCAAGACGCACTCGCATACGACCT 531127
OY 1081 GAAAACTACAGAACGTTTGGCAAAATTAGTGTGTGTAGCTGTATATCAAGTATGA 1140
Db 531128 GAGAACTGTGAGAGCGGCTGCGCAAGCTGCGCGGTGTGTGCGGTATCAAGCGGT 531187
OY 1141 GCTCCAAAGAGACAGCTTTTAAAGAAATGAACCTGCAATGAGATGCTCAATATGCT 1200
Db 531188 GCGCGCACGAGGTGCACTCAAGAGCGCAAGACCGCATGAGATGCGATTCCAT 531247
OY 1201 ACAGTGCACGCTGGAAGAGATATGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 1260
Db 531248 GCGAAGCGCTGCGTGTGAGAGAGGATCTGCGCGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 531307
OY 1261 ATGAAGATGAGACGCTTGTGAGCTTGAAGCGCATGTACTGTGACGTAATTTGTG 1320
Db 531308 GCCCGACCTGTGAGAGATGAGCTGTGAGAGCGACAGCGAGCGCGCAACATGCG 531367
OY 1321 CTGTGCTCTGTGAAGAGCTGTACGTCAAATTTGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 1380
Db 531368 AAGTGTGCTGTGAAGCGCTGTGAAGAGATTCGCTTCAATCTCGGCTGTGAGCGGG 531427
OY 1381 GTAGTATTGCAAGTTGAAAAAGCCCTGACAGAACAGATTAATGTTGTGTGACAGGT 1440
Db 531428 GTGTGTGCGAGAGAGTGTGCGCAACCTGCGGCTGTGCGAGGACTGACGCTGACGCG 531487
OY 1441 GAGTGTGTGTATGATTAAGACAGATCATGACCTGTGCAAGATTAACAGATCAGC 1500
Db 531488 GTTACGAGAGATGT 531547
OY 1501 CTTCAAAATGACAGCTTCTGTAGTACTTATTTTGAACAAGAGAGCTGTGTAT 1560

Db 531548 CTGCAAGATGGCGGCTCATTCGCGGGCTGTCTCCAGACCGAGGCGCTGCTCCGAC
QY 1561 AAACCTGAA 1569
Db 531608 AAGCCGAA 531616

RESULT 15

US-09-103-840A-1
Sequence 1. Application US/09103840A
Patent No. 6294328
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: FLEISCHMAN, Robert D.
APPLICANT: WHITE, Owen R.
APPLICANT: FRASER, Claire M.
APPLICANT: VENTER, John C.
TITLE OF INVENTION: DNA SEQUENCES FOR STRAIN ANALYSIS IN MYCOBACTERIUM
FILE REFERENCE: 24366-20007.00
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/103,840A
NUMBER OF SEQ ID NOS: 2
SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
SEQ ID NO 1
LENGTH: 4411529
TYPE: DNA
ORGANISM: Mycobacterium tuberculosis
OTHER INFORMATION: H37Rv
US-09-103-840A-1

Query Match 28.0%; Score 458.6; DB 4; Length 4411529;
Best Local Similarity 55.8%; Pred. No. 1,48-123;
Matches 875; Conservative 0; Mismatches 694; Indels 0; Gaps 0;

QY 1 ATGGCAAGAAATCAATTTTCAGCAGATGGCGGTGCTGCATGTGCGGAGTTGAT 60
Db 528606 ATGGCAAGACATTCGTACAGAGAAAGGCGCGCTCGAGCGGGGCTTGAC 528665
QY 61 ATGTAGCAGATACCTGCAAGTAACTGCTTAAAGGGCGCAATTTGTTCTTGA 120
Db 528666 GCGCTGCGGATGGGTAAGGTACATGGGCGCCAAAGGCGCAACGTCTCTCGAA 528725
QY 121 AAGCTTTGGTCTCCCTTAATTAATGACGGGTAAACATTCCTAAAGAGTGA 180
Db 528726 AAGAGTGGGTGCGCCCGACGATCACCACAGATGCTGTCTCAACGAGATCGAG 528785
QY 181 TTAGAAGATCAATTTGAAACATGGAGCAAAATTTGCTGTAAGTGGCTCTTAAAC 240
Db 528786 CTGAGAGATCCGTACGAGAAATGCGGCGAGCTGTCAAAAGGTAGCCCAAAAGAC 528845
QY 241 AATGATTTGCTGTATGGAGAGATACAGTAAAGTTTGAACAAGCCATTGCTCAT 300
Db 528846 GATGACGTGCGCGGTAGCGACACACAGCGACCGTGTGCGCCAAAGCTGTGTCG 528905
QY 301 GAAGACATAAAAAATGTACAGAGGTGTAATCAATTTGATTCGTGAGAGTGA 360
Db 528906 GAGGCTGCGCAAGCTGCGCGCGGCGCAACCGCTGCTCAAAAGGCGGATGAA 528965
QY 361 ACAGCAACAGCAAGCTGTGTAAGCTTGAAGCCATTTGCTCAACCTGATTCGACAG 420
Db 528966 AAGGCGCTGGAAGGTACCGAGAACCTTCTCAAGGCGCGCAAGAGGTGAGAACCAAG 529025
QY 421 GAAGCTATGCTCAGTCTGCTGAGTATCATCAGCTCTGAAAAAGTTGAGAGTATATC 480
Db 529026 GAGCAGATTTGGCGCCACCGACGATTTGGCGGGTGACAGTCCATCGTGAGACCTGATC 529085
QY 481 TCAGAACCTATGAGCGTGTGGCAAGATGTGATGATTCATCAAGAGATTCGAGGT 540
Db 529086 GCGGAGGATGAGCAAGGTGGGCAAGGCGGTCAACCGTTCAGAGATCCAAACCC 529145
QY 541 ATGGAACAGAACTTGAAGTGTGAAGGATGCAATTTGACCGCTTACTGCTCAAC 600

Db 529146 TTTGGGCTGAGCTGAGCTACCGAGAGGTATGCGGTGCAAGAGGCTACATCTCGGG 529205
QY 601 TACATGCTCAGACAGATGAAAAATGTTTGCACACTTTGAAACCCATTATCTTAATC 660
Db 529206 TACTTCGTGACCGACCGAGACCTGCAAGAGGTGCTGAGAGACCTTCATCTCGCTG 529265
QY 661 ACGATTAAGAGTCTCAACATCCAAAGCATTTTGCCACTACTTGAGAGATTTCTAAA 720
Db 529266 GTCACTCCAGAGTGTCCAGTCAAGATGCTGCTCCCTCTCTGAGAAAGTATCGGA 529325
QY 721 ACCAAGCTGCTTACTCATTTATGCAAGATGATGATGATGAGACACTTCCACCTT 780
Db 529326 GCGGTAAAGCCCTGCTGATCATCGCGAGACGTGAGGCGGAGCGGTCTCACCTG 529385
QY 781 GTCTTGAACAGATTCGTGTAATTTCAATGTGGTTGCTGCAAGCGCCGAGATTTGT 840
Db 529386 GTCTCAACAGATTCGCGGACCTTCAAGTGTGGCGGTCAAGGCTCCCGGCTTGGC 529445
QY 841 GATCGTGTAAAGCTATGCTGAAAGCATGCTCTGTGACAGGTGTGATGATTTACA 900
Db 529446 GACGCGCGAAGCGATGTGCAAGATATGGCCATTCACCGGTGTGATGATCAGC 529505
QY 901 GAGGATGAGACTGATTAATAAGATCTCAATGACAGCCCTTGACAGCGCTCTAG 960
Db 529506 GAAAGGTGCGGCTGACGCTGAGAACCCGACCTGTCTGCTAGCAGAGCGCCAG 529565
QY 961 ATGACGTGTGAATAAGATGACAGATTAATTTGTAAGCTTCAAGATTTCAAGCTTT 1020
Db 529566 GTCTGTGTACCGACAGAGACAGACACATCTGTGAGGCGCGGAGACACGCGCATC 529625
QY 1021 GCTAACCTGATTCGACTGATTAATGCAATTTGAAACAACTTCTGACTTGAACCT 1080
Db 529626 GCGGAGAGGTGCGCCAGATTCGCCAGAGATGCAAGAGGATTCGATCAACCGT 529685
QY 1081 GAAAACTCAAGAACTTTGGGAAATTAAGTGTGTGTGATCTTATCAAGATGA 1140
Db 529686 GAGAACTCAAGAACTGCGGCTGCAAGCTGCGGTGTGTGTGTGTGATCAAGCGCT 529745
QY 1141 GCTCAACAGAGACGCTTTAAAGAAATGAACTTCGATGAGATGCTTAATGCT 1200
Db 529746 GCGCCACAGAGGTGCAATCAAGAGCGCAGACCCGATGAGATGCGGTGCAAT 529805
QY 1201 ACAGTGCAGCGCTGAAGAGATTCGTGCTGTGTGTGGAAGCATTTATTCGCTT 1260
Db 529806 GCGAAGCGCGCTGTGAGAGGACATCTGCGGCTGTGGGTGTGACGCTTTCAGAGC 529865
QY 1261 ATGAAAGATGACGCTCTTGAGCTTGAGGGGATGATGCTACTGAGAGCTATGTG 1320
Db 529866 GCGCCGACCTGTGAGAGCTTGAAGCTTCGAAGGCGAGAGGCGACCGCCAAATGTG 529925
QY 1321 CTTCGTGCTCTGAGAGCTGTGACGTAAATTTGCTTAAATGCTGTGAGAGCTCC 1380
Db 529926 AAGGTGCGCTGAGAGCGCCGCTGAAGATGCTTAACTCCGCGTGAAGCGGCG 529985
QY 1381 GTACTATTGACAGTTGAAAAACAGCCCTGACAGAAAGATTTAATGCTCAACAGT 1440
Db 529986 GTGTGTGCGGAGAGGTGTCACAACTGCGGCTGCGCAAGAGCTGACAGCGGT 530045
QY 1441 GAGTGGTGTATGATTAATAACAGAAATCTATGACCTCTCAAGAAAGATGAGAGC 1500
Db 530046 GTCTACGAGATGTGCTGCTGCGCGCTGTGCTGACCGGCTCAAGAGTACCGGCG 530105
QY 1501 CTTAAATGACAGCTCTGATGCTGATTTATTTGACAAAGAGATGTTGCTTAAT 1560
Db 530106 CTGAGAAATGCGGCTCATTCGCGGCGCTGTCTCTTACACAGAGCGCTGTCCGAC 530165
QY 1561 AAACCTGAA 1569
Db 530166 AAGCCGAA 530174

